

CS-B-Gen6

1. Name des Moduls:	Sequencing
2. Fachgebiet / Verantwortlich:	Dr. Engelmann
3. Inhalte des Moduls:	Alignment-Algorithmen für große Datensätze mit kurzen Sequenzen, Genexpressionsanalyse mit Sequenzdaten, Finden von Mutationen (resequencing), Genom-Annotation
4. Qualifikationsziele des Moduls:	Kennenlernen und anwenden von Algorithmen für die Analyse großer Sequenzdatensätze
5. Teilnahmevoraussetzungen:	
a) empfohlene Kenntnisse:	R, Linux Basiswissen
b) verpflichtende Nachweise:	Genomik und Bioinformatik I
6. Verwendbarkeit des Moduls:	BSc Computational Science, Nebenfach Bioinformatik
7. Angebotsturnus des Moduls:	Alle 2 Jahre im WS
8. Dauer des Moduls:	1 Semester
9. Empfohlenes Fachsemester:	5. Semester
10. Gesamtarbeitsaufwand des Moduls (Workload) / Anzahl Leistungspunkte:	150 Std. (60 Std. Präsenzzeit, 60 Std. Eigenstudium, 30 Std. Prüfungsvorbereitung) / 5 Leistungspunkte*
*Die LP für das Modul werden erst nach Bestehen der Modulprüfung bzw. aller Modulteilprüfungen vergeben.	

11. Das Modul ist erfolgreich absolviert, wenn die unten näher beschriebenen Leistungen erfüllt sind:

a) Modulbestandteile:

Nr	P / WP*	Lehrform	Themenbereich/Thema	SWS / Std.	Studienleistungen
1	P	V	Sequencing	2 SWS (30 Std.)	
2	P	Ü	Sequencing	2 SWS (30 Std.)	

* P = Pflichtveranstaltung; WP = Wahlpflichtveranstaltung

b) Modulprüfung

Kompetenz / Thema	Art der Prüfung	Dauer	Zeitpunkt	Anteil an Modulnote
Sequencing	Klausur	60 min.	Ende des Moduls.	Benotet 5/5 = 100%

Bemerkungen:

12. Sonstiges:

--